

bioinformatorek

#3 (2010)

Polskiego Towarzystwa Bioinformatycznego

Polish_Bioinformatics_Society_News

<http://ptbi.org.pl/>



Szanowni Państwo,

Działalność PTBI toczy się zaplanowanym rytmem. W ub. roku pod patronatem PTBI zorganizowano 3 duże konferencje – II Zjazd PTBI w Będlewie (X09), BIT10 w Toruniu (VI10) oraz Szkołę Letnią Bioinformatyki w Poznaniu (VII10). Ogłoszono konkursy na najlepszą pracę magisterską i doktorską związane z bioinformatyką. Laureatów poznamy na najbliższym III Zjeździe PTBI, który odbywa się w dniach 1-3 X 2010 w Ustroniu. Zarząd Towarzystwa podjął starania – tym razem skuteczne – o zdobycie dotacji MNiSZW na dofinansowanie naszych konferencji. Udało się uzyskać kwotę 6000 zł na wsparcie BITu. PTBI ma już ponad 100 członków. Kilka osób musieliśmy wykluczyć z Towarzystwa za brak opłat składek. W wyniku starań Zarządu PTBI zostało w kwietniu Członkiem Stowarzyszonym (Affiliate) International Society for Computational Biology (<http://www.iscb.org/iscbaffiliateseurope>). Składka roczna 400 USD została wykorzystana na pokrycie opłaty członkowskiej dla 10 najbardziej aktywnych osób w pracach PTBI: 5 osób z Zarządu, 3 osoby z Komisji Rewizyjnej oraz 2 szefów Komisji Konkursowych. Wkrótce wybierzemy nowy Zarząd, mam nadzieję, iż będzie on sprawnie promował rozwój nauk związanych z bioinformatyką w Polsce. Informacje nt. działalności znajdziecie Państwo na naszej stronie www (<http://ptbi.xt.pl/>) oraz w niniejszym informatorku, który będzie dostępny w internecie. Zapraszamy do współpracy.

Jerzy Tiuryn - Prezes PTBI



Zarząd:

Jerzy Tiuryn (prezes)

Janusz M. Bujnicki (wiceprezes)

Wiesław Nowak (wiceprezes)

Marta Pasenkiewicz-Gierula (sekretarz)

Witold Rudnicki (skarbnik)

Komisja Rewizyjna:

Jacek Błażewicz (przewodniczący)

Jacek Leluk

Sławomir Filipek

Polskie Towarzystwo Bioinformatyczne

ul. Banacha 2 02-097 Warszawa

REGON 141348225

NIP 7010118646

Nr Konta 85 1240 1053 1111 0010 1724 1817

Składki członkowskie za rok 2009 wynoszą: 80 zł,
studenci i doktoranci – 40 zł

W dniu 21.09.2010 liczba członków PTBI wynosiła 117.

Informacje o zjazdach i konferencjach

II Zjazd PTBI połączony z 7. warsztatami bioinformatycznymi

(Będlewo, 3-4 X 2010, współorganizatorzy: Polit. Poznańska, Inst. Chemii Bioorganicznej PAN)

II Zjazd PTBI, który odbył się w ośrodku PAN w Będlewie był tradycyjnie bardzo udany, Zgromadził 69 uczestników, w zdecydowanej większości byli to młodzi adepci bioinformatyki m.in. z Niemiec i Białorusi. W ciągu 3 dni zaprezentowano 28 mini referatów w języku angielskim, Nagrodę PTBI za najlepszą prezentację zdobyła Ewa Szczurek z UW (1000 zł) za referat pt. *Model-based dissection of transcriptional deregulation*. Nagrodę PTBI za najlepszą pracę magisterską w 2008 r. uzyskała Katarzyna H. Kamińska z Wydziału Biologii UAM w Poznaniu za pracę pt. *Analiza bioinformatyczna enzymów z nadrodziny Radical SAM* (promotor : Janusz M. Bujnicki) zaś wyróżnienia uzyskali Marek Błażewicz z Instytutu Informatyki Politechniki Poznańskiej za pracę pt. *Wyszukiwarka fragmentów RNA - projekt i implementacja* (promotor: Marta Szachniuk) oraz Tomasz Osiński z W. Biologii UAM w Poznaniu, za pracę pt. *Klasyfikacja struktur trzeciorzędowych RNA z wykorzystaniem metod nauczania maszynowego* (promotor: Janusz M. Bujnicki). Odbyło się oczywiście Walne Zebranie PTBI , głównym punktem było wysłuchanie sprawozdania Prezesa prof. J. Tiury z działalności PTBI . (<http://bio.cs.put.poznan.pl/ptbi2/>)

III Zjazd PTBI połączony z 8. warsztatami bioinformatycznymi dla doktorantów

odbędzie się w Ustroniu (Hotel-SPA Diament) w dniach 1-3 X 2010. Przewodniczącym Komitetu Programowego jest Andrzej Polański, przewodniczącą Komitetu Organizacyjnego Aleksandra Gruca współorganizatorem jest Instytut Informatyki Politechniki Śląskiej. Na Zjazd/warsztaty zarejestrowało się blisko 70 osób. Zaplanowano 28 referatów (15'), odbędzie się też sesja posterowa. (www.ptbi3.polsl.pl)

Bioinformatyka doszła do Tatr...

W dniach 13-17 lutego odbyła się XXXVII Szkoła Zimowa Wydziału Biochemii, Biofizyki i Biotechnologii UJ. Szkoły Zimowe tego Wydziału mają długą tradycję - ich celem jest nieformalne spotkanie między profesorami, młodszymi pracownikami naukowymi, doktorantami i studentami. W 2010 roku Szkoła poświęcona była – zapewne dzięki sugestii prof. Marty Pasenkiewicz-Gierula - bioinformatyce. Wykładowcami byli m.in. Andrzej Koliński z UW i Wiesław Nowak z UMK w Toruniu. Aktywności naukowe połączone były z zajęciami sportowymi: wielu uczestników Szkoły startowało na stokach Harendy w III Memoriał Profesora Zygmunta Wasylewskiego, nagrodą za najbardziej efektowny „zjazd” był laptop. Szkoła była doskonale zorganizowana przez sympatyczną ekipę dziekana Jerzego Dobruckiego.

(<http://www.wbbib.uj.edu.pl/zakopane2010/?strona=main&lang=pl>)



Scenka rodzajowa z II Zjazdu PTBI w Będlewie X 2009

Letnia Szkoła w Poznaniu

W dniach 5-10 lipca 2010 odbyła się *IX Edycja Poznańskiej Letniej Szkoły Bioinformatyki*, po raz drugi pod patronatem PTBI, koordynowana przez Izabelę Makalowską. W zajęciach wzięło udział 40 uczestników.

<http://lemur.amu.edu.pl/share/bioinfo/index.html>

Bioinformatics in Torun – BIT10 (<http://www.bit.edu.pl>)

Warsztaty zostały zorganizowane przez Wydział Fizyki, Astronomii i Informatyki Stosowanej Uniwersytetu M. Kopernika w Toruniu oraz PTBI. Odbyły się po raz 10. W skład Komitetu Organizacyjnego i Programowego wchodził prof. prof.: W. Nowak – przewodniczący (IF UMK Torun), J. M. Bujnicki (IICMB, Wwa), W. Duch (KIS UMK Torun), J. Meller (U Cincinnati, USA, KIS Torun). Wiele prac wykonali, m.in.: skarbnik PTBI dr W. Rudnicki (ICM UW Wwa), dr Ł. Peplowski, mgr K. Mikulska, mgr A. Gogolińska, mgr A. Jasiński i mgr M. Lorkowski (wszyscy UMK). Konferencja odbyła się w dniach 10-12 czerwca 2010 na terenie nowoczesnego budynku W. Matematyki i Informatyki UMK. Uczestniczyło w niej 70 osób, w tym 9 wybitnych ekspertów z zagranicy. Wygłoszono 14 wykładów, odbyła się sesja plakatowa, w sobotę 12/06 oprócz wykładu odbyły się w Instytucie Fizyki zajęcia praktyczne w trzech grupach tematycznych. Konferencję otworzył wykład profesora J. C. Rajapakse, dyrektora Bioinformatics Research Center z Nanyang Technological University (Singapur) pt. “Pattern discovery in bioinformatics”. Prof. J. Soeding, z Protein Informatics and Computational Biology (Gene Center Munich) mówił następnie nt statystycznych metod przeszukiwania sekwencji. J. Meller (University of Cincinnati College of Medicine & Division of Biomedical Informatics, USA) przedstawił referat pt “Enhanced Prediction of HLA Alleles from SNP Data”. Z kolei prof. Richard Lavery, (Institut de Biologie et Chimie des Protéines, Lyon, Francja) podał nowe informacje nt. struktury podwójnej helisy (“Refining the double helix: The role of base sequence”). Kolejna sesja poświęcona była zwijaniu białek i ich dynamice. Dr Jordi Villa i Freixa, (CBBL at Research Group on Biomedical Informatics, Barcelona) pokazywał jak łączyć modelowanie molekularne na różnych poziomach by badać efektywnie to zwijanie, zaś dr hab. J. Trylska, (ICM, UW) zaprezentowała zalety gruboziarnistej dynamiki w modelowaniu rybosomu. Dr K. Zakrzewska, (Institut de Biologie et Chimie des Protéines, Lyon, France) wygłosiła referat pt. “(Re)Modelling nucleosome displacement”.

BIT10 cd

Ważnym punktem BIT10 było wystąpienie laureata “Polskiego Nobla 2009” czyli Nagrody FNP, prof. Andrzeja Kolińskiego z UW (zob. foto na 1szej stronie). Opowiedział On o swoich metodach badania ścieżek zwijania białek.

Kolejne referaty były bardziej “genomiczne”: dr K. Vlahovicek (EMBO IG Bioinformatics Group, Zagreb, Chorwacja) mówił nt. “Comparative genomics on basal metazoans: tissue is not the issue”, zaś dr I. Makałowska (UAM, Poznan) analizowała możliwość wykorzystania retrogenów jako znaczników filogentycznych. Goście z Glasgow (University of Strathclyde,): dr K. Kubiak-Ossowska i dr P. A. Mulheran przedstawili swoje wyniki związane z badaniem dynamiki i klasteryzacji białek na naładowanych powierzchniach. Drugi dzień BIT10 zamknęły dwa doskonałe referaty prof. P. F. Stadlera (Bioinformatics Group, Department of Computer Science, and Interdisciplinary Center for Bioinformatics, University of Leipzig) pt. “Prediction of long ncRNAs: beyond conserved secondary structure” oraz J.M. Bujnickiego, (IIMCB Warsaw, UAM Poznan) pt. „RNA is the new protein: what's new in the field?”. W sobotę odbyły się praktyczne tutoriale: "Analysis of codon usage in prokaryotes" - K.Vlahovicek; "MD, VMD & Steered MD" - Ł.Pełowski/K.Mikulska; "Grid computing and bioinformatics" – M. Borcz.

Nie zabrakło dwóch spotkań towarzyskich przy kolacjach. Jedno ilustrowane było muzyką i nauką tańców ludowych różnych krajów. Przygrywał zespół prowadzony przed doktoranta astronomii z UMK. W BIT10, zgodnie z przyjętą formułą, wykładowcami byli renomowani naukowcy, zaś słuchaczami doktoranci i studenci z całej Polski, głównie z Warszawy, Poznania i Torunia. Była też liczna grupa zaprzyjaźnionych młodych biofizyków z UJ w Krakowie. Udało się utrzymać opłatę konferencyjną na niskim poziomie (150-200 zł). Przy okazji BIT09 w Toruniu zebrał się Zarząd PTBI.



Uczestnicy BIT10 (fot. P. Miszta)

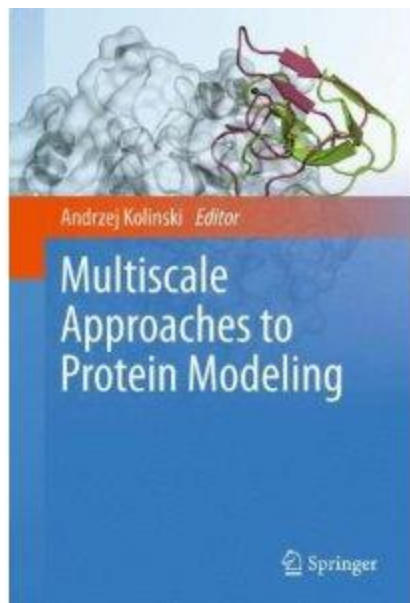
„Polski Nobel”



Członek PTBI, Prof. Andrzej Koliński z Wydziału Chemii Uniwersytetu Warszawskiego (<http://biocomp.chem.uw.edu.pl/>) został Laureatem prestiżowej nagrody Fundacji na rzecz Nauki Polskiej za 2009. Gratulujemy!

MOL cyfrowy@

czyli ciekawe publikacje członków PTBI



Andrzej Kolinski (Editor)

Wydawca:

„The book gives a comprehensive review of the most advanced multiscale methods for protein structure prediction, computational studies of protein dynamics, folding mechanisms and macromolecular interactions. It approaches span a wide range of the levels of coarse-grained representations, various sampling techniques and variety of applications to biomedical and biophysical problems. This book is intended to be used as a reference book for those who are just beginning their adventure with biomacromolecular modeling but also as a valuable source of detailed information for those who are already experts in the field of biomacromolecular modeling and in related areas of computational biology or biophysics.”

300 pages **Publisher:** Springer; 1st Edition. edition (October 1, 2010) **Language:** English **ISBN-10:** 1441968881 **ISBN-13:** 978-1441968883

@ *Zwracamy tutaj uwagę na pozycje, które mogą się szczególnie przydać w rozwoju bioinformatyki polskiej. Autorzy książek są grzecznie proszeni o rozważenie możliwości przekazania egzemplarza prezentowanych pozycji do puli nagród dla młodych badaczy przyznawanych w konkursach organizowanych przez PTBI.*

Gorące punkty

- czyli możliwości staży, pracy i inne użyteczne strony

(prosimy zgłaszać dobre linki do redaktora Bionformatorka #1-3

Wiesława Nowaka:... wiesiek [.at .] fizyka.umk.pl).

- <http://lib.bioinfo.pl/jobs>
- <http://www.bioinformatyk.eu/>
- <http://www.molnet.eu/>
- <http://www.bioinformatics.org/jobs/>
- <http://www.bioinformatyk.eu/index.php/bioinformatyka/studia-doktoranckie-bioinformatyka-na-pjwstk.html>
- <http://www.bioinformatics.fr/jobs.php>

Korespondencja:

W dniach 15-17 września 2008 odbyła się w Rzymie konferencja mini EURO conference on Computational Biology, Bioinformatics and Medicine, której organizatorami byli Paola Bertolazzi (Istituto di Analisi dei Sistemi ed Informatica, CNR), **Jacek Błażewicz** (Instytut Informatyki, Politechnika Poznańska) oraz Metin Turkyay (Department of Industrial Engineering, Koc University). Konferencja ta zgromadziła kilkudziesięciu uczestników, którzy prezentowali wyniki swojej pracy w zakresie zastosowania modeli badań operacyjnych dla bioinformatyki, biologii obliczeniowej i medycyny. Wśród osób zaproszonych wykłady wygłosili: Alberto Apostolico (Computational Science & Engineering Division, College of Computing), Martin Vingron (Max Planck Institute for Molecular Genetics) oraz Burak Erman (Department of Chemical and Biological Engineering, Koc University). Uczestnicy z 17 krajów wygłosili ponad 60 referatów. Dodatkowym atutem konferencji była możliwość zwiedzania w wolnych chwilach ciekawych miejsc starożytnego Rzymu, co dodatkowo łączyło uczestników konferencji. (<http://www.iasi.cnr.it/iasi/RomeConference/index.php>)

Pozdrawiam,
Ola Świercz, Politechnika Poznańska

II Zjazd PTBI Będlewo, X 2009



Fot. A. Swiercz, oficjalne